

Annexe 1 : Etablissements et données administratives

Tableau I : Répartition des lits par type d'établissement et selon le statut

Type ¹	PUBLIC	PSPH ¹	PRIVE	Total	%
CHR/CHU	5 420	0	0	5 420	23,9
CH	13 259	0	0	13 259	58,5
MCO	0	2 169	679	2 848	12,6
MIL	205	0	0	205	0,9
CLCC	0	376	0	376	1,7
Total (%)	19 323 (85)	2 676 (12)	679 (3)	22 678	100

¹ CHR/CHU : centre hospitalier régional/ universitaire, CH : centre hospitalier, MCO : établissement de soins de médecine, chirurgie, obstétrique, SSR : établissement de soins de suite et de réadaptation, MIL : hôpital militaire, PSY : établissement d'hospitalisation psychiatrique, CLCC : centre de lutte contre le cancer, PSPH : participant au service public hospitalier.

Tableau II : Répartition des entrées directes par type d'établissement et selon le statut

Type	PUBLIC	PSPH	PRIVE	Total	%
CHR/CHU	27 488	0	0	27 488	17,7
CH	91 533	0	0	91 533	59,1
MCO	0	18 283	10 794	29 077	18,8
MIL	1 155	0	0	1 155	0,7
CLCC	0	4 728	0	4 728	3,1
Ensemble (%)	120 737 (78)	23 388 (15)	10 794 (7)	154 919	100

Tableau III : Nombre de journées d'hospitalisation par type d'établissement et selon le statut

Type	PUBLIC	PSPH	PRIVE	Total	%
CHR/CHU	281 614	0	0	281 614	18,4
CH	977 162	0	0	977 162	63,9
MCO	0	139 014	56 281	195 295	12,8
MIL	9 502	0	0	9 502	0,6
CLCC	0	23 213	0	23 213	1,5
Ensemble (%)	1 300 984 (85)	172 234 (11)	56 281 (4)	1 529 499	100

Tableau IV: Répartition des lits, des entrées directes (ED) et des journées d'hospitalisation (J hosp) par discipline

Discipline	Nb lits	%	Nb ED	%	Nb J hosp	%
Court séjour	15 673	69,1	149 638	96,6	983 570	64,5
<i>Médecine adulte</i>	7 124		60 299		497 632	
<i>Pédiatrie</i>	927		11 355		52 736	
<i>Chirurgie adulte et infantile</i>	5 428		55 323		302 418	
<i>Gynécologie-obstétrique, maternité</i>	1 594		19 433		92 297	
<i>Réanimation adulte, infantile néonatale</i>	600		3 228		38 487	
Psychiatrie adulte et infantile	857	3,8	1 993	1,3	54 846	3,6
Soins de suite et de réadaptation	1 898	8,4	2 853	1,8	138 766	9,1
Soins de longue durée	4 250	18,7	435	0,3	346 917	22,8
Total	22 678	100,0	154 919	100,0	1 524 099	100,0

Annexe 2 : Bactériémies nosocomiales acquises en hospitalisation incomplète

1 Caractéristiques des patients

Le sex-ratio (H/F) est de 1,2.

L'âge moyen est de 61,9 ans (IC95% [58,0 - 65,8])

- hommes : 60,5 ans (IC95% [55,2 - 65,8])

- femmes : 63,5 ans (IC95% [57,7 - 69,3])

Au sein des bactériémies nosocomiales acquises en hospitalisation incomplète :

Parmi les 81 épisodes, 44 sont survenues chez des patients présentant une immunosuppression (54,3 %).

Parmi les 81 épisodes, 51 sont survenues chez des patients présentant une pathologie oncologique ou hématologique (63,0 %).

2 Portes d'entrée des Bactériémies nosocomiales acquises en hospitalisation incomplète

Tableau I: Répartition des Bactériémies Nosocomiales (BN) acquises en hospitalisation incomplète par Portes d'Entrée et fréquence de la documentation microbiologique pour chaque Portes d'Entrée (PE)

Porte d'entrée	BN acquises en hospitalisation incomplète		Documentation microbiologique	
	Nb BN	%	Nb	%
Cutanée	7	8,6	3	-
Site opératoire	1	1,2	0	-
Pleuro- pulmonaire	5	6,2	3	-
Urinaire	8	9,9	5	-
Cathéter long	11	13,6	3	-
Cathéter court	2	2,5	1	-
Site implantable	17	21,0	12	-
Foyer Inf. digestif	3	3,7	0	-
Patient neutropénique sans PE décelée	1	1,2	0	-
Materno-fœtale	0	0,0	0	-
Inconnue chez un patient non neutropénique	18	22,2	0	-
Autre PE	8	9,9	1	-
Total	81	100,0	28	34,6

Tableau II: Répartition des portes d'entrée des Bactériémies Nosocomiales (BN) acquises en hospitalisation incomplète par discipline

Porte d'entrée	Médecine (N=55)	Pédiatrie (N=1)	Chirurgie (N=6)	Réanimation (N=2)	Autres (N=17)
Cutanée	3	0	2	0	2
Site opératoire	0	0	0	0	1
Pleuro- pulmonaire	5	0	0	0	0
Urinaire	6	0	1	0	1
Cathéter	24	0	1	1	4
Inconnue	10	1	1	1	6
Autre	7	0	1	0	3

3 Répartition des principaux microorganismes isolés dans les bactériémies nosocomiales acquises en hospitalisation incomplète

Tableau III: Répartition des principaux microorganismes isolés

Microorganisme	N	%
<i>Staphylococcus aureus</i>	19	19,6
<i>Staphylococcus</i> à Coagulase Négative.	23	23,7
<i>Escherichia coli</i>	14	14,4
<i>Klebsiella, Enterobacter, Serratia</i>	10	10,3
<i>Pseudomonas aeruginosa</i>	9	9,3

Tableau IV: Répartition des principaux microorganismes isolés au sein des bactériémies nosocomiales acquises en hospitalisation incomplète par discipline.

Microorganisme	Médecine (n=64)	Pédiatrie (n=1)	Chirurgie (n=6)	Réanimation (n=2)	Autres (n=21)
<i>Staphylococcus aureus</i>	11	0	0	0	7
<i>Staphylococcus</i> à Coagulase Négative.	17	0	0	2	3
<i>Escherichia coli</i>	6	1	1	0	6
<i>Klebsiella, Enterobacter, Serratia</i>	7	0	3	0	0
<i>Pseudomonas aeruginosa</i>	8	0	0	0	1
Autre microorganisme	15	0	2	0	4

Tableau V: Répartition des principaux microorganismes isolés au sein des bactériémies nosocomiales acquises en hospitalisation incomplète par porte d'entrée

	<i>S. aureus</i>	<i>Staphylococcus</i> à coagulase négative	<i>E. coli</i>	<i>Klebsiella,</i> <i>Enterobacter,</i> <i>Serratia</i>	<i>P. aeruginosa</i>	autre microorganisme
Cutanée (n=7)	1	2	1	1	0	2
Site opératoire (n=1)	0	0	0	0	0	1
Pulmonaire (n=5)	0	0	0	1	1	3
Urinaire (n=8)	1	0	4	2	1	0
Cathéter (n=38)	9	14	4	2	2	7
Inconnue (n=21)	1	3	5	2	5	5
Autre PE (n=14)	6	3	0	2	0	3

4 Résistance des microorganismes aux antibiotiques

Genre *Staphylococcus*

	MétiS ¹	%	MétiR ¹	%	Non renseigné	%
<i>S.aureus</i> (n=19)	17	-	2	-	0	-
<i>S.epidermidis</i> (n=12)	5	-	7	-	0	-

Genre *Enterococcus*

	AMP S ¹	%	AMP R VAN S ¹	%	AMP R VAN R ¹	%	Non renseigné	%
<i>E. faecalis, E. faecium</i> (n=0)	0	-	0	-	0	-	0	-

Genre *Entérobactéries*

	AMP S ¹	%	AMP R CTX S ¹	%	CTX R sans BLSE ¹	%	CTX R avec BLSE ¹	%	Non renseigné	%
<i>Escherichia coli</i> (n=14)	5	-	8	-	0	-	0	-	1	-
<i>Proteus mirabilis</i> (n=1)	1	-	0	-	0	-	0	-	0	-
<i>Klebsiella pneumoniae</i> (n=5)			5	-	0	-	0	-	0	-
<i>Enterobacter cloacae</i> (n=4)			3	-	0	-	1	-	0	-
<i>Enterobacter aerogenes</i> (n=1)			1	-	0	-	0	-	0	-
<i>Serratia spp.</i> (n=0)			0	-	0	-	0	-	0	-

Genre *Pseudomonas*

	TIC S ¹	%	TIC R CAZ S ¹	%	TIC R CAZ R ¹	%	Non renseigné	%
<i>Pseudomonas aeruginosa</i> (n=9)	4	-	2	-	3	-	0	-

¹ AMP = Ampicilline, CAZ = Ceftazidime, CTX = Cefotaxime, Méti = Méricilline, TIC = Ticarcilline, VAN = Vancomycine, R = intermédiaire ou résistant, S = sensible, BLSE = bêta-lactamase à spectre étendu

5 Devenir du patient

Tableau VI: Devenir du patient au sein des bactériémies nosocomiales en hospitalisation incomplète

	Nb	%
Décès	10	12,3
Non sorti	40	49,4
Sorti	31	38,3
Inconnue	0	0,0

Tableau VII: Fréquence des décès des patients selon la discipline au sein des bactériémies nosocomiales acquises en hospitalisation incomplète.

	Nb BN	Nb décès	%
Court séjour	65	7	10,8
<i>Médecine adulte</i>	55	6	10,9
<i>Pédiatrie</i>	1	0	-
<i>Chirurgie adulte et infantile</i>	6	1	-
<i>Gynécologie-obstétrique, maternité</i>	1	0	-
<i>Réanimation adulte, infantile, néonatale</i>	2	0	-
Psychiatrie adulte et infantile	0	0	-
Soins de suite et de réadaptation	1	1	-
Soins de longue durée	0	0	-
Autre	15	2	-
Total	81	10	12,3

Tableau VIII: Fréquence des décès selon l'espèce au sein des bactériémies nosocomiales acquises en hospitalisation incomplète.

Microorganisme	Nb total	Nb décès	%
<i>Staphylococcus aureus</i>	19	1	-
<i>Staphylococcus</i> à Coagulase Négative.	23	1	4,3
<i>Escherichia coli</i>	14	1	-
<i>Klebsiella, Enterobacter, Serratia</i>	10	1	-
<i>Pseudomonas aeruginosa</i>	9	4	-

Tableau IX : Imputabilité du décès liée à la bactériémie nosocomiale acquise en hospitalisation incomplète chez les patients décédés

Imputabilité	Nb décès	%
Complète	1	-
Partielle	7	-
Non imputable	2	-

Annexe 3 : Fréquence des microorganismes isolés des bactériémies nosocomiales acquises en hospitalisation complète dans l'établissement, dans un autre établissement ou en hospitalisation incomplète.

Microorganisme	établissement		autre établissement		hosp incomplète		Total	
	Nb	%		%	Nb	%	Nb	%
Cocci Gram +	389	53,0	35	45,5	45	46,4	469	51,7
<i>Staphylococcus aureus</i>	150	20,4	13	16,9	19	19,6	182	20,0
<i>Staphylococcus epidermidis</i>	86	11,7	9	11,7	12	12,4	107	11,8
<i>Staphylococcus haemolyticus</i>	9	1,2	0	0,0	1	1,0	10	1,1
Autre espèce identifiée de SCN	16	2,2	2	2,6	3	3,1	21	2,3
SCN non spécifié	48	6,5	1	1,3	7	7,2	56	6,2
Pneumocoque (<i>S. pneumoniae</i>)	10	1,4	1	1,3	0	0,0	11	1,2
<i>Streptococcus pyogenes</i> (groupe A)	2	0,3	1	1,3	1	1,0	4	0,4
<i>Streptococcus agalactiae</i> (groupe B)	3	0,4	0	0,0	0	0,0	3	0,3
Autres strepto hémolytiques (groupes C, G)	3	0,4	0	0,0	0	0,0	3	0,3
Streptococcus (viridans) non groupables	8	1,1	0	0,0	0	0,0	8	0,9
Streptococcus autres	12	1,6	3	3,9	2	2,1	17	1,9
<i>Enterococcus faecalis</i>	27	3,7	5	6,5	0	0,0	32	3,5
<i>Enterococcus faecium</i>	7	1,0	0	0,0	0	0,0	7	0,8
Enterococcus autre	1	0,1	0	0,0	0	0,0	1	0,1
Enterococcus non spécifié	5	0,7	0	0,0	0	0,0	5	0,6
Autres cocci Gram +	2	0,3	0	0,0	0	0,0	2	0,2
Entérobactéries	216	29,4	20	26,0	30	30,9	266	29,3
<i>Escherichia coli</i>	116	15,8	9	11,7	14	14,4	139	15,3
<i>Klebsiella pneumoniae</i>	26	3,5	4	5,2	5	5,2	35	3,9
<i>Klebsiella oxytoca</i>	12	1,6	0	0,0	0	0,0	12	1,3
<i>Klebsiella</i> autres	1	0,1	0	0,0	0	0,0	1	0,1
<i>Enterobacter cloacae</i>	14	1,9	4	5,2	4	4,1	22	2,4
<i>Enterobacter aerogenes</i>	5	0,7	0	0,0	1	1,0	6	0,7
<i>Enterobacter</i> autres	1	0,1	1	1,3	0	0,0	2	0,2
<i>Serratia</i> spp.	10	1,4	0	0,0	0	0,0	10	1,1
<i>Proteus mirabilis</i>	13	1,8	0	0,0	1	1,0	14	1,5
<i>Proteus</i> autres	5	0,7	0	0,0	2	2,1	7	0,8
<i>Citrobacter freundii</i>	2	0,3	1	1,3	1	1,0	4	0,4
<i>Citrobacter Koseri</i>	1	0,1	0	0,0	0	0,0	1	0,1
<i>Citrobacter</i> autres	1	0,1	0	0,0	2	2,1	3	0,3
<i>Hafnia</i> spp.	1	0,1	0	0,0	0	0,0	1	0,1
<i>Morganella</i> spp.	5	0,7	0	0,0	0	0,0	5	0,6
<i>Providencia</i> spp.	0	0,0	0	0,0	0	0,0	0	0,0
<i>Salmonella typhi</i> ou <i>paratyphi</i>	0	0,0	0	0,0	0	0,0	0	0,0
<i>Salmonella</i> autre	0	0,0	1	1,3	0	0,0	1	0,1
<i>Shigella</i> spp.	0	0,0	0	0,0	0	0,0	0	0,0
Autres entérobactéries	3	0,4	0	0,0	0	0,0	3	0,3

Annexe 3 (suite)

Microorganisme	établissement		autre établissement		hosp incomplète		Total	
	Nb	%	Nb	%	Nb	%	Nb	%
Bacilles Gram - non entérobactéries	68	9,3	12	15,6	18	18,6	98	10,8
<i>Pseudomonas aeruginosa</i>	34	4,6	9	11,7	9	9,3	52	5,7
Autres <i>Pseudomonas</i> et apparentés	5	0,7	1	1,3	0	0,0	6	0,7
<i>Stenotrophomonas maltophilia</i>	3	0,4	0	0,0	2	2,1	5	0,6
<i>Burkholderia cepacia</i>	0	0,0	0	0,0	0	0,0	0	0,0
<i>Acinetobacter baumannii</i>	15	2,0	0	0,0	5	5,2	20	2,2
<i>Acinetobacter</i> autre	4	0,5	0	0,0	1	1,0	5	0,6
<i>Achromobacter</i> spp.	0	0,0	0	0,0	0	0,0	0	0,0
<i>Aeromonas</i> spp.	1	0,1	0	0,0	0	0,0	1	0,1
<i>Agrobacterium</i> spp.	0	0,0	0	0,0	0	0,0	0	0,0
<i>Alcaligenes</i> spp.	0	0,0	1	1,3	1	1,0	2	0,2
<i>Campylobacter</i> spp.	1	0,1	0	0,0	0	0,0	1	0,1
<i>Flavobacterium</i> spp.	1	0,1	0	0,0	0	0,0	1	0,1
<i>Gardnerella</i> spp.	0	0,0	0	0,0	0	0,0	0	0,0
<i>Haemophilus</i> spp.	0	0,0	0	0,0	0	0,0	0	0,0
<i>Helicobacter pylori</i> spp.	0	0,0	0	0,0	0	0,0	0	0,0
<i>Legionella</i> spp.	0	0,0	0	0,0	0	0,0	0	0,0
<i>Pasteurella</i> spp.	0	0,0	0	0,0	0	0,0	0	0,0
Autre BG- non entérobactéries	4	0,5	1	1,3	0	0,0	5	0,6
Cocci Gram -	2	0,3	0	0,0	0	0,0	2	0,2
<i>Neisseria meningitidis</i>	0	0,0	0	0,0	0	0,0	0	0,0
<i>Neisseria</i> autres	0	0,0	0	0,0	0	0,0	0	0,0
<i>Moraxella</i>	1	0,1	0	0,0	0	0,0	1	0,1
Autres cocci Gram -	1	0,1	0	0,0	0	0,0	1	0,1
Bacilles Gram +	10	1,4	0	0,0	2	2,1	12	1,3
<i>Bacillus</i> spp.	1	0,1	0	0,0	0	0,0	1	0,1
<i>Lactobacillus</i> spp.	2	0,3	0	0,0	1	1,0	3	0,3
Corynébactéries	4	0,5	0	0,0	0	0,0	4	0,4
<i>Listeria monocytogenes</i>	0	0,0	0	0,0	1	1,0	1	0,1
Autres bacilles Gram +	3	0,4	0	0,0	0	0,0	3	0,3
Anaérobies stricts	25	3,4	7	9,1	0	0,0	32	3,5
<i>Bacteroides fragilis</i>	11	1,5	3	3,9	0	0,0	14	1,5
<i>Bacteroides</i> autres	8	1,1	1	1,3	0	0,0	9	1,0
<i>Clostridium difficile</i>	0	0,0	0	0,0	0	0,0	0	0,0
<i>Clostridium</i> autres	2	0,3	1	1,3	0	0,0	3	0,3
<i>Prevotella</i> spp.	1	0,1	0	0,0	0	0,0	1	0,1
<i>Propionibacterium</i> spp.	1	0,1	1	1,3	0	0,0	2	0,2
Autres anaérobies	2	0,3	1	1,3	0	0,0	3	0,3
Autres Bactéries	0	0,0	0	0,0	0	0,0	0	0,0
Mycobactérie complexe <i>tuberculosis</i>	0	0,0	0	0,0	0	0,0	0	0,0
Mycobactérie atypique	0	0,0	0	0,0	0	0,0	0	0,0
<i>Actinomyces</i> spp.	0	0,0	0	0,0	0	0,0	0	0,0
<i>Chlamydia</i> spp.	0	0,0	0	0,0	0	0,0	0	0,0
<i>Mycoplasma</i> spp.	0	0,0	0	0,0	0	0,0	0	0,0
<i>Nocardia</i> spp.	0	0,0	0	0,0	0	0,0	0	0,0
Autres bactéries	0	0,0	0	0,0	0	0,0	0	0,0
Champignons	0	0,0	1	1,3	0	0,0	1	0,1
<i>Aspergillus fumigatus</i>	0	0,0	0	0,0	0	0,0	0	0,0
<i>Aspergillus</i> autres	0	0,0	1	1,3	0	0,0	1	0,1
Filaments autres	0	0,0	0	0,0	0	0,0	0	0,0
Levures	24	3,3	2	2,6	2	2,1	28	3,1
<i>Candida albicans</i>	9	1,2	1	1,3	2	2,1	12	1,3
<i>Candida</i> autre	11	1,5	1	1,3	0	0,0	12	1,3
Levures autres	4	0,5	0	0,0	0	0,0	4	0,4
Autres parasites	0	0,0	0	0,0	0	0,0	0	0,0
Total	734	100	77	100	97	100	908	100

Annexe 4 : Bactériémies d'origine iatrogène ambulatoire et communautaire (bactériémies non nosocomiales)

1. Episodes bactériémiques

Les bactériémies d'origine iatrogène ambulatoire représentent 1,8 % de l'ensemble des bactériémies et les bactériémies communautaires 54,9 %.

Tableau I: Répartition des bactériémies iatrogènes ambulatoires et communautaires par discipline

Discipline	Bactériémie Iatrogène ambulatoire		Bactériémie Communautaire	
	Nb	%	Nb	%
Court séjour	31	93,9	822	80,0
<i>Médecine adulte</i>	24	72,7	554	53,9
<i>Pédiatrie</i>	2	6,1	35	3,4
<i>Chirurgie adulte et infantile</i>	5	15,2	116	11,3
<i>Gynécologie-obstétrique, maternité</i>	0	0,0	20	1,9
<i>Réanimation adulte, infantile néonatale</i>	0	0,0	97	9,4
Psychiatrie adulte et infantile	0	0,0	0	0,0
Soins de suite et de réadaptation	0	0,0	5	0,5
Soins de longue durée	0	0,0	5	0,5
Autre	2	6,1	196	19,1
Total	33	100,0	1 028	100,0

Les bactériémies d'origine iatrogène ambulatoire et communautaire sont le plus souvent diagnostiquées en service de médecine. Toutefois elles peuvent être diagnostiquées dans un nombre non négligeable de cas en service de réanimation pouvant évoquer des symptômes graves au moment du diagnostic.

2. Caractéristiques des patients

Tableau II: Caractéristiques des patients (sexe, âge) dans les bactériémies d'origine non nosocomiale

	Iatrogène ambulatoire	Communautaire
Sexe		
Homme	57,6%	48,4%
Femme	42,4%	51,6%
Sex-ratio (H/F)	1,4	0,9
Age		
Moyenne (ans)	58,0	65,4
IC95% (ans)	[50,8 - 65,2]	[64,1 - 66,7]
Extrêmes (ans)	(3 - 82)	(0 - 100)

Au sein des bactériémies d'origine iatrogène ambulatoire

Parmi les 33 épisodes, 17 sont survenues chez des patients présentant une immunosuppression (51,5 %).

Parmi les 33 épisodes, 23 sont survenues chez des patients présentant une pathologie oncologique ou hématologique (69,7 %).

Au sein des bactériémies communautaires

Parmi les 1028 épisodes, 157 sont survenues chez des patients présentant une immunosuppression (15,3 %).

Parmi les 1028 épisodes, 174 sont survenues chez des patients présentant une pathologie oncologique ou hématologique (16,9 %).

3. Portes d'entrée des Bactériémies iatrogènes ambulatoires et communautaires

Tableau III: Répartition des bactériémies iatrogènes ambulatoires par Portes d'Entrée et fréquence de la documentation microbiologique pour chaque Porte d'Entrée (PE)

Porte d'entrée	Bactériémie Iatrogène ambulatoire		Documentation microbiologique par PE	
	Nb	%	Oui	%
Cutanée	0	0,0	0	-
Site opératoire	0	0,0	0	-
Pleuro- pulmonaire	0	0,0	0	-
Urinaire	9	27,3	5	-
Cathéter long	8	24,2	3	-
Cathéter court	4	12,1	1	-
Site implantable	11	33,3	2	-
Foyer Inf. digestif	0	0,0	0	-
Patient neutropénique sans PE décelée	0	0,0	0	-
Materno-fœtale	0	0,0	0	-
Inconnue chez un patient non neutropénique	0	0,0	0	-
Autre PE	1	3,0	1	-
Total	33	100,0	12	36,4

Tableau IV: Répartition des bactériémies communautaires par Porte d'Entrée et fréquence de la documentation microbiologique pour chaque Porte d'Entrée (PE)

Porte d'entrée	Bactériémie Communautaire		Documentation microbiologique par PE	
	Nb	%	Oui	%
Cutanée	85	8,3	29	34,1
Site opératoire	0	0,0	0	-
Pleuro- pulmonaire	164	16,0	36	22,0
Urinaire	306	29,8	249	81,4
Cathéter long	0	0,0	0	-
Cathéter court	0	0,0	0	-
Site implantable	0	0,0	0	-
Foyer Inf. digestif	168	16,3	24	14,3
Patient neutropénique sans PE décelée	20	1,9	0	0,0
Materno-fœtale	12	1,2	7	-
Inconnue chez un patient non neutropénique	200	19,5	0	0,0
Autre PE	73	7,1	21	28,8
Total	1 028	100,0	366	35,6

Tableau V : Répartition des portes d'entrée des bactériémies **iatrogènes ambulatoires** par discipline principalement concernée

	Médecine (N=24)	Pédiatrie (N=2)	Chirurgie (N=5)	Réanimation (N=0)	Autres (N=2)
Cutanée	0	0	0	0	0
Site opératoire	0	0	0	0	0
Pulmonaire	0	0	0	0	0
Urinaire	3	0	5	0	1
Cathéter	20	2	0	0	1
Inconnue	0	0	0	0	0
Autre PE	1	0	0	0	0

Tableau VI : Répartition des portes d'entrée des bactériémies **communautaires** par discipline principalement concernée

	Médecine (N=554)	Pédiatrie (N=35)	Chirurgie (N=116)	Réanimation (N=97)	Autres (N=196)
Cutanée	57	1	5	5	17
Site opératoire	0	0	0	0	0
Pulmonaire	86	8	3	28	37
Urinaire	180	7	43	13	54
Cathéter	0	0	0	0	0
Inconnue	114	5	26	20	45
Autre PE	117	14	39	31	43

4. Répartition des principaux microorganismes isolés dans les bactériémies iatrogènes ambulatoires, et communautaires

Tableau VII: Répartition des principaux microorganismes isolés

Microorganisme	Iatrogène ambulatoire		Communautaire	
	Nb	%	Nb	%
<i>Staphylococcus aureus</i>	9	23,1	121	11,1
<i>Staphylococcus</i> à Coagulase Négative.	12	30,8	55	5,0
<i>Escherichia coli</i>	8	20,5	417	38,2
<i>Klebsiella, Enterobacter, Serratia</i>	2	5,1	63	5,8
<i>Pseudomonas aeruginosa</i>	0	0,0	18	1,6

Tableau VIII: Répartition des principaux microorganismes isolés au sein des bactériémies iatrogènes ambulatoires par discipline

Microorganisme	Médecine (n=27)	Pédiatrie (n=2)	Chirurgie (n=6)	Réanimation (n=0)	Autres (n=3)
<i>S. aureus</i>	7	0	2	0	0
<i>Staphylococcus</i> à coagulase négative	10	2	0	0	0
<i>E. coli</i>	3	0	3	0	2
<i>Klebsiella, Enterobacter, Serratia</i>	2	0	0	0	0
<i>P. aeruginosa</i>	0	0	0	0	0
autre microorganisme	5	0	1	0	1

Tableau IX: Répartition des principaux microorganismes isolés au sein des bactériémies communautaires par discipline

Microorganisme	Médecine (n=586)	Pédiatrie (n=38)	Chirurgie (n=120)	Réanimation (n=103)	Autres (n=234)
<i>S. aureus</i>	66	3	15	15	21
<i>Staphylococcus</i> à coagulase négative	26	3	9	9	7
<i>E. coli</i>	233	8	55	25	95
<i>Klebsiella, Enterobacter, Serratia</i>	35	1	8	5	14
<i>P. aeruginosa</i>	9	0	0	2	7
autre microorganisme	217	23	33	47	90

Tableau X: Répartition des principaux microorganismes isolés au sein des bactériémies **iatrogènes ambulatoires** par porte d'entrée

Porte d'entrée	<i>Staphylococcus</i> à coagulase		<i>E. coli</i>	<i>Klebsiella,</i> <i>Enterobacter,</i>		<i>P. aeruginosa</i>	autre microorganisme
	<i>S. aureus</i>	négative		<i>Serratia</i>			
Cutanée (n=0)	0	0	0	0	0	0	0
Site opératoire (n=0)	0	0	0	0	0	0	0
Pulmonaire (n=0)	0	0	0	0	0	0	0
Urinaire (n=12)	3	1	6	1	0	0	1
Cathéter (n=25)	5	11	2	1	0	0	6
Inconnue (n=0)	0	0	0	0	0	0	0
Autre PE (n=1)	1	0	0	0	0	0	0

Tableau XI: Répartition des principaux microorganismes isolés au sein des bactériémies **communautaires** par porte d'entrée

Porte d'entrée	<i>Staphylococcus</i> à coagulase		<i>E. coli</i>	<i>Klebsiella,</i> <i>Enterobacter,</i>		<i>P. aeruginosa</i>	autre microorganisme
	<i>S. aureus</i>	négative		<i>Serratia</i>			
Cutanée (n=89)	27	10	1	3	3	3	45
Site opératoire (n=0)	0	0	0	0	0	0	0
Pulmonaire (n=169)	9	15	6	10	3	3	126
Urinaire (n=314)	12	6	253	16	1	1	26
Cathéter (n=0)	0	0	0	0	0	0	0
Inconnue (n=238)	41	12	69	18	11	11	87
Autre PE (n=271)	31	11	87	16	0	0	126

5. Résistance des microorganismes aux antibiotiques

5.1 Bactériémies iatrogènes ambulatoires

Genre *Staphylococcus*

	MétiS ¹		MétiR ¹		Non renseigné	
	%	%	%	%	%	%
<i>S.aureus</i> (n=9)	5	-	2	-	2	-
<i>S.epidermidis</i> (n=5)	3	-	2	-	0	-

Genre *Enterococcus*

	AMP S ¹		AMP R VAN S ¹		AMP R VAN R ¹		Non renseigné	
	%	%	%	%	%	%	%	%
<i>E. faecalis, E. faecium</i> (n=1)	1	-	0	-	0	-	0	-

Genre *Entérobactéries*

	AMP S ¹		AMP R CTX S ¹		CTX R sans BLSE ¹		CTX R avec BLSE ¹		Non renseigné	
	%	%	%	%	%	%	%	%	%	%
<i>Escherichia coli</i> (n=8)	4	-	3	-	0	-	0	-	1	-
<i>Proteus mirabilis</i> (n=0)	0	-	0	-	0	-	0	-	0	-
<i>Klebsiella pneumoniae</i> (n=0)			0	-	0	-	0	-	0	-
<i>Enterobacter cloacae</i> (n=1)			0	-	0	-	0	-	1	-
<i>Enterobacter aerogenes</i> (n=0)			0	-	0	-	0	-	0	-
<i>Serratia spp.</i> (n=0)			0	-	0	-	0	-	0	-

Genre *Pseudomonas*

	TIC S ¹		TIC R CAZ S ¹		TIC R CAZ R ¹		Non renseigné	
	%	%	%	%	%	%	%	%
<i>P. aeruginosa</i> (n=0)	0	-	0	-	0	-	0	-

¹ AMP = Ampicilline, CAZ = Ceftazidime, CTX = Cefotaxime, Méti = Méricilline, TIC = Ticarcilline, VAN = Vancomycine, R = intermédiaire ou résistant, S = sensible, BLSE = bêta-lactamase à spectre étendu

5.2 Bactériémies communautaires

Genre *Staphylococcus*

	MétiS ¹		MétiR ¹		Non renseigné	
		%		%		%
<i>S.aureus</i> (n=121)	96	79,3	25	20,7	0	0,0
<i>S.epidermidis</i> (n=18)	3	-	14	-	1	-

Genre *Enterococcus*

	AMP S ¹		AMP R VAN S ¹		AMP R VAN R ¹		Non renseigné	
		%		%		%		%
<i>E. faecalis, E. faecium</i> (n=22)	20	90,9	1	4,5	0	0,0	1	4,5

Genre *Entérobactéries*

	AMP S ¹		AMP R CTX S ¹		CTX R sans BLSE ¹		CTX R avec BLSE ¹		Non renseigné	
		%		%		%		%		%
<i>Escherichia coli</i> (n=417)	220	52,8	185	44,4	2	0,5	1	0,2	9	2,2
<i>Proteus mirabilis</i> (n=24)	14	58,3	9	37,5	0	0,0	0	0,0	1	4,2
<i>Klebsiella pneumoniae</i> (n=35)			34	-	0	-	0	-	1	-
<i>Enterobacter cloacae</i> (n=11)			10	-	1	-	0	-	0	-
<i>Enterobacter aerogenes</i> (n=5)			2	-	0	-	3	-	0	-
<i>Serratia spp.</i> (n=3)			3	-	0	-	0	-	0	-

Genre *Pseudomonas*

	TIC S ¹		TIC R CAZ S ¹		TIC R CAZ R ¹		Non renseigné	
		%		%		%		%
<i>P. aeruginosa</i> (n=18)	10	-	8	-	0	-	0	-

Streptococcus pneumoniae

	P S ¹		P I ¹		P R ¹		Diminué sans CMI ¹		Non renseigné	
		%		%		%		%		%
<i>S. pneumoniae</i> (n=107)	65	60,7	23	21,5	12	11,2	3	2,8	4	3,7

¹ AMP = Ampicilline, CAZ = Ceftazidime, CTX = Cefotaxime, Méti = Mécilline, P = Pénicilline, TIC = Ticarcilline, VAN = Vancomycine, S = sensible, I = intermédiaire, R = résistant, BLSE = bêta-lactamase à spectre étendu, CMI = concentration minimale inhibitrice.

6. Devenir du patient

Tableau XII : Devenir du patient par classement en bactériémies iatrogène ambulatoire ou communautaire

	Bactériémie Iatrogène ambulatoire		Bactériémie Communautaire	
	Nb	%	Nb	%
Décès	5	15,2	109	10,6
Non sorti	15	45,5	618	60,1
Sorti	12	36,4	285	27,7
Inconnue	1	3,0	16	1,6

Tableau XIII : Fréquence des décès des patients selon la discipline au sein des bactériémies iatrogènes ambulatoires, et communautaires

Discipline	Bactériémie Iatrogène ambulatoire			Bactériémie Communautaire		
	Nb total	Nb décès	%	Nb total	Nb décès	%
Court séjour	31	4	12,9	822	90	10,9
<i>Médecine adulte</i>	24	3	12,5	554	47	8,5
<i>Pédiatrie</i>	2	0	-	35	2	5,7
<i>Chirurgie adulte et infantile</i>	5	1	-	116	6	5,2
<i>Gynécologie-obstétrique, maternité</i>	0	0	-	20	2	10,0
<i>Réanimation adulte, infantile néonatale</i>	0	0	-	97	33	34,0
Psychiatrie adulte et infantile	0	0	-	0	0	-
Soins de suite et de réadaptation	0	0	-	5	2	-
Soins de longue de durée	0	0	-	5	1	-
Autre	2	1	-	196	16	8,2
Total	33	5	15,2	1 028	109	10,6

Tableau XIV: Fréquence des décès selon l'espèce isolée des bactériémies iatrogènes ambulatoires et communautaires.

Microorganisme	Iatrogène ambulatoire			Communautaire		
	Nb total	Nb décès	%	Nb total	Nb décès	%
<i>Staphylococcus aureus</i>	9	2	-	121	21	17,4
<i>Staphylococcus</i> à Coagulase Négative.	12	0	-	55	2	3,6
<i>Escherichia coli</i>	8	1	-	417	39	9,4
<i>Klebsiella, Enterobacter, Serratia</i>	2	0	-	63	9	14,3
<i>Pseudomonas aeruginosa</i>	0	0	-	18	2	-

Tableau XV: Imputabilité du décès liée à la bactériémie iatrogène ambulatoire et communautaire chez les patients décédés

	Iatrogène ambulatoire	Communautaire
	Nb décès	Nb décès
Complète	0	23
Partielle	4	61
Non imputable	1	23

Annexe 5 : Fréquence des microorganismes isolés des bactériémies iatrogènes ambulatoires et communautaires

Microorganisme	Iatrogène ambulatoire		Communautaire	
	Nb	%	Nb	%
Cocci Gram +	26	66,7	444	40,7
<i>Staphylococcus aureus</i>	9	23,1	121	11,1
<i>Staphylococcus epidermidis</i>	5	12,8	18	1,6
<i>Staphylococcus haemolyticus</i>	0	0,0	1	0,1
Autre espèce identifiée de SCN	2	5,1	22	2,0
SCN. non spécifié	5	12,8	14	1,3
Pneumocoque (<i>S. pneumoniae</i>)	0	0,0	107	9,8
<i>Streptococcus pyogenes</i> (groupe A)	0	0,0	24	2,2
<i>Streptococcus agalactiae</i> (groupe B)	2	5,1	27	2,5
Autres strepto hémolytiques (groupe C et G)	1	2,6	16	1,5
Streptococcus (viridans) non groupables	1	2,6	20	1,8
Streptococcus autres	0	0,0	37	3,4
<i>Enterococcus faecalis</i>	1	2,6	18	1,6
<i>Enterococcus faecium</i>	0	0,0	4	0,4
Enterococcus autre	0	0,0	9	0,8
Enterococcus non spécifié	0	0,0	3	0,3
Autres cocci Gram +	0	0,0	3	0,3
Entérobactéries	10	25,6	534	48,9
<i>Escherichia coli</i>	8	20,5	417	38,2
<i>Klebsiella pneumoniae</i>	0	0,0	35	3,2
<i>Klebsiella oxytoca</i>	0	0,0	8	0,7
<i>Klebsiella</i> autres	0	0,0	0	0,0
<i>Enterobacter cloacae</i>	1	2,6	11	1,0
<i>Enterobacter aerogenes</i>	0	0,0	5	0,5
<i>Enterobacter</i> autres	1	2,6	1	0,1
<i>Serratia</i> spp.	0	0,0	3	0,3
<i>Proteus mirabilis</i>	0	0,0	24	2,2
<i>Proteus</i> autres	0	0,0	6	0,5
<i>Citrobacter freundii</i>	0	0,0	1	0,1
<i>Citrobacter Koseri</i>	0	0,0	2	0,2
<i>Citrobacter</i> autres	0	0,0	1	0,1
<i>Hafnia</i> spp	0	0,0	2	0,2
<i>Morganella</i> spp.	0	0,0	4	0,4
<i>Providencia</i> spp.	0	0,0	1	0,1
<i>Salmonella typhi</i> ou <i>paratyphi</i>	0	0,0	1	0,1
<i>Salmonella</i> autre	0	0,0	6	0,5
<i>Shigella</i> spp.	0	0,0	0	0,0
Autres entérobactéries	0	0,0	6	0,5

Annexe 5 (suite)

Microorganisme	Iatrogène ambulatoire		Communautaire	
	Nb	%	Nb	%
Bacilles Gram - non entérobactéries	0	0,0	38	3,5
<i>Pseudomonas aeruginosa</i>	0	0,0	18	1,6
Autres <i>Pseudomonas</i> et apparentés	0	0,0	3	0,3
<i>Stenotrophomonas maltophilia</i>	0	0,0	1	0,1
<i>Burkholderia cepacia</i>	0	0,0	0	0,0
<i>Acinetobacter baumannii</i>	0	0,0	2	0,2
<i>Acinetobacter</i> autre	0	0,0	0	0,0
<i>Achromobacter</i> spp.	0	0,0	0	0,0
<i>Aeromonas</i> spp.	0	0,0	0	0,0
<i>Agrobacterium</i> spp.	0	0,0	0	0,0
<i>Alcaligenes</i> spp.	0	0,0	0	0,0
<i>Campylobacter</i> spp.	0	0,0	4	0,4
<i>Flavobacterium</i> spp.	0	0,0	0	0,0
<i>Gardnerella</i> spp.	0	0,0	1	0,1
<i>Haemophilus</i> spp.	0	0,0	5	0,5
<i>Helicobacter pylori</i>	0	0,0	0	0,0
<i>Legionella</i> spp.	0	0,0	0	0,0
<i>Pasteurella</i> spp.	0	0,0	2	0,2
Autre BG- non entérobac	0	0,0	2	0,2
Cocci Gram -	0	0,0	8	0,7
<i>Neisseria meningitidis</i>	0	0,0	7	0,6
<i>Neisseria</i> autres	0	0,0	0	0,0
<i>Moraxella</i> spp.	0	0,0	1	0,1
Autres cocci Gram -	0	0,0	0	0,0
Bacilles Gram +	1	2,6	13	1,2
<i>Bacillus</i>	0	0,0	3	0,3
<i>Lactobacillus</i> spp.	0	0,0	1	0,1
Corynébactéries	1	2,6	5	0,5
<i>Listeria monocytogenes</i>	0	0,0	1	0,1
Autres bacilles Gram +	0	0,0	3	0,3
Anaérobies stricts	2	5,1	53	4,9
<i>Bacteroides fragilis</i>	2	5,1	24	2,2
<i>Bacteroides</i> autres	0	0,0	8	0,7
<i>Clostridium difficile</i>	0	0,0	0	0,0
<i>Clostridium</i> autres	0	0,0	7	0,6
<i>Prevotella</i> spp.	0	0,0	3	0,3
<i>Propionibacterium</i> spp.	0	0,0	2	0,2
Autres anaérobies	0	0,0	9	0,8
Autres Bactéries	0	0,0	0	0,0
Mycobactérie complexe <i>tuberculosis</i>	0	0,0	0	0,0
Mycobactérie atypique	0	0,0	0	0,0
<i>Actinomyces</i> spp.	0	0,0	0	0,0
<i>Chlamydia</i> spp.	0	0,0	0	0,0
<i>Mycoplasma</i> spp.	0	0,0	0	0,0
<i>Nocardia</i> spp.	0	0,0	0	0,0
Autres bactéries	0	0,0	0	0,0
Champignons	0	0,0	0	0,0
<i>Aspergillus fumigatus</i>	0	0,0	0	0,0
<i>Aspergillus</i> autres	0	0,0	0	0,0
Filaments autres	0	0,0	0	0,0
Levures	0	0,0	1	0,1
<i>Candida albicans</i>	0	0,0	0	0,0
<i>Candida</i> autre	0	0,0	1	0,1
Levures autres	0	0,0	0	0,0
Autres parasites	0	0,0	0	0,0
Total	39	100	1 091	100

Annexe 6 : Surveillance des bactériémies : Fiche de recueil des données

Nom, Prénom: -----

-----Pour tout envoi : découper après photocopie----- Annexe 3₂₀₀₃

Fiche de recueil des Bactériémies, Enquête C-CLIN Est du 1er octobre au 31 décembre 2003

1 Numéro de la fiche / __ / __ / __ / __ /

2 Code C-CLIN / 3 /

3 Code Etablissement / __ / __ / __ / __ /

4 Code service / __ / __ / __ / __ /

(Intitulé propre à votre établissement)

(service où la 1^{ère} hémoculture positive a été prélevée)

5 Discipline / __ / __ / __ /

(Cf. annexe 5₂₀₀₃)

6 Spécialité / __ / __ / __ /

(Cf. annexe 5₂₀₀₃)

A) Données administratives du patient

7 Date de naissance / __ / __ / __ / __ / __ / __ / __ / __ / __ / (jj/mm/aaaa)

8 Sexe / __ / (1 = Masculin, 2 = Féminin)

9 Date d'entrée dans l'établissement / __ / __ / __ / __ / __ / __ / __ / __ / __ / (jj/mm/aaaa)

B) Données microbiologiques de l'épisode

10 Date prélèvement 1^{ère} hémoculture positive / __ / __ / __ / __ / __ / 2/0/0/3 / (jj/mm/aaaa)

(Une hémoculture positive comprend un ou plusieurs flacons positifs prélevés au même moment)

11 Nb d'hémocultures positives / __ / __ /

12 Nb de flacons positifs pour l'épisode / __ / __ /

13 Micro-organisme isolé N°1 / __ / __ / __ / __ / __ / __ / __ / (Code à 6 lettres (et un chiffre si phénotype), Cf. annexe 4₂₀₀₃)

14 Micro-organisme isolé N°2 / __ / __ / __ / __ / __ / __ / __ / (Code à 6 lettres (et un chiffre si phénotype), Cf. annexe 4₂₀₀₃)

15 Micro-organisme isolé N°3 / __ / __ / __ / __ / __ / __ / __ / (Code à 6 lettres (et un chiffre si phénotype), Cf. annexe 4₂₀₀₃)

C) Données cliniques

16 Classement a priori de l'épisode / __ /

0 = Contamination de l'hémoculture

1 = Communautaire sans rapport avec des soins

2 = Nosocomiale, acquise en hospitalisation complète

3 = Nosocomiale, acquise en hospitalisation incomplète

4 = Iatrogène ambulatoire, (soins dispensés à domicile ou en cabinet de soins).

5 = Nosocomiale acquise dans un autre établissement

17 Porte d'entrée de la bactériémie / __ / __ /

1 = Cutanée

2 = Site opératoire

3 = Pleuro-pulmonaire

4 = Urinaire

5 = Cathéter central

6 = Cathéter périphérique

7 = Chambre implantée

8 = Digestive / Abdominale

9 = Translocation digestive probable (=Porte d'entrée non décelée chez un patient neutropénique PNN<500/ml)

10 = Inconnue (=Porte d'entrée non décelée chez un patient non neutropénique PNN≥500/ml)

11 = Materno-fœtale

12 = Autres cathéters et assimilés

20 = Autre porte d'entrée, 17a Laquelle -----

18 Dispositif invasif transitoire ou à demeure associé à la bactériémie / __ / (1 = Oui, 2 = Non, 9 = Inconnu)

(à renseigner si la porte d'entrée (variable 17) est codée 3, 4, 8, 10, ou 20)

19 Porte d'entrée microbiologiquement documentée / __ / (1 = Oui, 2 = Non, 9 = Inconnue)

20 Immunosuppression / __ / (1 = Oui, 2 = Non, 9 = Inconnue)

21 Tumeur solide maligne ou hémopathie maligne / __ / (1 = Oui, 2 = Non, 9 = Inconnue)

22 Devenir du patient (à 7j de la bactériémie) / __ /

(1 = Décédé, 2 = Présent dans l'établissement, 3 = Sorti de l'établissement, 9 = Inconnu)

22a Si décès, Imputabilité à la Bactériémie / __ /

(1 = Complète, 2 = Partielle, 3 = Non imputable)

Annexe 7 : Liste des établissements participants

ALTKIRCH: Centre hospitalier Saint Morand
BAR LE DUC : Centre hospitalier J d' Arc
BEAUNE: Centre hospitalier Philippe le Bon
BESANCON: CHU Jean Minjoz
BOULAY : Hôpital le Secq de Crepy
BOURBON LANCY : Centre hospitalier d' Aligre
BRIEY: Centre hospitalier Maillot
CERNAY: Centre hospitalier
CHALON SUR SAONE : Clinique Sainte Marie
CHARLEVILLE MEZIERES : C H de Manchester
CHAUMONT: Centre hospitalier
COLMAR: GHP du Centre Alsace (GHPCA)
COLMAR: Hôpitaux civils
COSNE COURS SUR LOIRE : Centre hospitalier
DECIZE : Centre hospitalier
DIJON: Centre Georges François Leclerc
DOLE: CHS du Jura
EPERNAY : Clinique Saint Vincent
EPERNAY : Centre hospitalier Auban Moët
EPERNAY : Maison de convalescence Sainte Marthe
FORBACH : Hôpital Marie Madeleine
FORBACH : Centre hospitalier Sainte Barbe
GUEBWILLER : Centre médical Sainte Anne
HAGUENAU : Clinique Saint François
LANGRES : Centre hospitalier
LE CREUSOT : Fondation Hôtel Dieu
METZ : HIA Legouest
METZ : Hôpital Belle Isle
METZ : Clinique Claude Bernard
MONTCEAU LES MINES : Hôpital Jean Bouveri
MULHOUSE : Centre de dialyse la Fonderie
MULHOUSE : Clinique Saint Sauveur
MULHOUSE : Centre hospitalier
MULHOUSE : Fondation de la Maison du Diaconat
NANCY : Maison hospitalière Saint Charles
NANCY : Clinique Traumato-Orthopédie
NEVERS : Centre hospitalier Pierre Bérégovoy
PARAY LE MONIAL : Clinique la Roseraie
PONTARLIER : Centre hospitalier
REIMS : CHU R. Debré
REIMS : Institut Jean Godinot
REMIEMONT : Centre hospitalier
RETHEL : Centre hospitalier
SAINTE AVOLD : Hôpital Lemire
SAINTE AVOLD : Hospitalor
SAINTE DIZIER : Centre hospitalier
SARREBOURG : Centre hospitalier Saint Nicolas
SEDAN : Centre hospitalier
SELESTAT : Centre hospitalier
SENS : Centre Hospitalier Gaston Ramon
STRASBOURG : Clinique ADASSA
STRASBOURG : Hôpitaux universitaires
THANN : Centre hospitalier Saint Jacques
TROYES : Centre hospitalier
VANDOEUVRE LES NANCY : Centre Alexis Vautrin
VERDUN : Centre Hospitalier Saint Nicolas
VESOUL : Centre Hospitalier Paul Morel
VITRY LE FRANCOIS : Centre hospitalier
VITTEL : Centre hospitalier
VOUZIERS : Centre hospitalier
WISSEMBOURG : Centre hospitalier